



第12届AOHUPO大会暨第8届AOAPO大会 暨π-HuB国际大科学计划第三届全球峰会 暨第13届CNHUPO大会

Joint 12th AOHUPO, 8th AOAPO, 3rd π-HuB Global Summit
in conjunction with 13th CNHUPO Congress

Oct 11-14, 2025

Guangzhou, China 中国·广州

探索蛋白质宇宙：迈向新生物学和精准医学

Navigating The Protein Universe: Toward New Biology and Precision Medicine

第一轮通知

2025年2月



Website:
www.aohupo2025.com
www.cnhupo.org.cn

会务组

国家蛋白质科学中心·北京

地址：北京市昌平区生命园路38号，102206

电话：010-61777004 (学术)

010-61777010 (招展)

010-84351699 (会务)

邮箱：aohupo2025@163.com

为促进蛋白质组学的研究与发展，增进国际间合作交流，由人体蛋白质组导航国际大科学计划（π-HuB）、亚太蛋白质组组织（AOHUPO）、亚太植物蛋白质组组织（AOAPO）、中国人类蛋白质组组织（CNHUPO）主办，国家蛋白质科学中心·北京、南方医科大学、医学蛋白质组全国重点实验室、广东智慧医学国际研究院等共同承办的第12届AOHUPO大会暨第8届AOAPO大会暨π-HuB国际大科学计划第三届全球峰会暨第13届CNHUPO大会定于2025年10月11日-14日在广州市召开。本届会议以“探索蛋白质宇宙：迈向新生物学和精准医学”为主题，聚焦蛋白质组学领域发展及π-HuB计划蓝图，将以国内外专家学者大会特邀报告、主旨报告、分会报告、培训讲座、墙报等多种形式，集中呈现近年全球蛋白质组学领域重大突破、前沿成果、最新的仪器设备及分析技术。我们将与全球蛋白质组学、医学、信息学与人工智能等领域专家学者一道，共享国际前沿成果，共商π-HuB计划实施方案，共推蛋白质组学在生命科学、健康医学、制药业和农业等领域的应用发展。

大会议题



卫星会

01 职业发展、论文撰写和基金申请培训
Career development, writing papers and grants

02 国际知名期刊编辑见面会
Meet the editors

03 新星研讨会
Rising star symposium

大会主题

探索蛋白质宇宙：迈向新生物学和精准医学

Navigating The Protein Universe: Toward New Biology and Precision Medicine

大会语言

中文 / 英文

会议组织

■ 组织单位

主办单位： π -HuB 国际大科学计划

亚太植物蛋白质组组织 (AOAPO)

亚太蛋白质组组织 (AOHUPO)

中国人类蛋白质组组织 (CNHUPO)

承办单位：南方医科大学

医学蛋白质组全国重点实验室

国家蛋白质科学中心·北京

广东智慧医学国际研究院

名誉主席：贺福初 Ruedi Aebersold

大会主席：Terence Poon 徐平 黎孟枫

秘书长：郭天南 Low Teck Yew

副秘书长：杜庆峰 杨平仿 唐刘君 于晓波 杨靖

■ 大会秘书处

联系人：王老师 董老师 (国家蛋白质科学中心·北京)

电话：010-61777004 (学术) 010-61777010 (会展咨询)

传真：010-61777050

E-mail：aohupo2025@163.com

征文范围及要求 (参照模版)

投稿论文被录用者，将于会议期间在壁报交流区域进行展示，大会将组织**优秀论文评选**。

凡未在国内外公开刊物发表过的研究成果，均可投稿，具体要求如下：

征文范围：有关蛋白质组学及相关领域近年来研究的学术成果，以**英文论文摘要形式投稿**。

稿件要求：摘要请按正式发表论文要求撰写，300字以内，使用 Word 软件撰写。文责自负 (参照模版)。

字体要求：标题—Times New Roman 四号加粗

作者—Times New Roman 五号居中，拟作报告者请在其姓名下方划一横线

注：大会报告幻灯片一律要求英文准备

单位、地址、邮编、E-mail—Times New Roman 小五号居中

摘要—Times New Roman 五号

参考文献—Times New Roman 五号

投稿方式：请直接登陆大会网站完成投稿 (投稿系统后续公布)，任何问题请及时联系大会秘书处。

截止日期：论文摘要投稿截止日期为 2025 年 7 月 31 日。

技术培训与会议注册

大会(注册)网址: www.aohupo2025.com/ 网站将于近期开通。

会前培训注册类型		优惠注册 (7月31日前)		普通注册 (7月31日后)	
		人民币	美元	人民币	美元
MaxQuant 技术培训 + Peaks on line 培训 (10-11日, 2天) 上述两个培训班二选一(平行召开)	学生	500	70	500	70
	博士后	500	70	500	70
	普通科研工作者	800	110	1000	140
	企业人员	2000	275	2200	300
AI 大模型及蛋白质组应用 培训 + 蛋白质组技术培训 (12日上午, 3/4天) 上述两个培训班二选一(平行召开)	学生	300	40	300	40
	博士后	300	40	300	40
	普通科研工作者	400	55	500	70
	企业人员	1000	140	1200	160

大会注册类型	优惠注册 (7月31日前)		普通注册 (7月31日后)	
	人民币	美元	人民币	美元
学生注册费	900	120	1200	160
博士后注册费	1500	200	1800	250
普通科研工作者注册费	1800	250	2100	300
企业人员注册费	3000	410	4000	550

现场注册及报到: 2025年10月10日-12日

现场注册时请携带本人身份证, 学生代表需携带学生证。已交费代表请带好汇款凭证, 以备核对。正式代表和学生代表, 可以参加会议组织的所有活动。注册费包括会务费、资料费、会议期间餐费等。

会议地址和住宿宾馆

会议地址: 白云国际会议中心, 中国·广东省·广州·白云区白云大道南1039-1045号(白云山风景区、近广州体育馆)

住宿安排: 白云国际会议中心

其他住宿建议:

■ 广州白云国际会议中心越秀万豪酒店

距广州白云国际会议中-2号门步行610米, 约9分钟

■ 广州白云国际会议中心越秀福朋喜来登酒店

距广州白云国际会议中-2号门步行730米, 约11分钟

由于参会人员较多, 请代表自行乘地铁抵达报到地点。大会组委会不安排车辆接送, 望参会代表谅解。交通指南如下:

■ 白云国际机场 ↔ 会议中心

A. 乘地铁3号线北延段, 在嘉禾望岗站换乘2号线, 到白云文化广场站(C口出)下车, 乘车时间40分钟

B. 乘的士走机场高速约 35 分钟，费用约人民币 80 元

■ 广州南站 ↔ 会议中心

推荐路线：

乘地铁 2 号线到白云文化广场站
(C 口出) 下车，乘车时间约 50 分钟

■ 广州站 ↔ 会议中心

A. 乘地铁 2 号线到白云文化广场站
(C 口出) 下车，乘车时间约 25 分钟
B. 乘的士约 20 分钟，费用约人民币 25 元



学术报告及壁报交流

大会和分会报告的参会代表，请在注册当日（2025 年 10 月 10 日）将报告材料交至大会学术组，报告材料须为 Powerpoint 文件，一律要求英文准备，存储于移动硬盘、USB 闪盘中，大会提供笔记本电脑和幻灯放映设备，不接受个人电脑接入。如有特殊需求，请提前与大会学术组联系。

为更好地进行壁报交流，本次大会壁报建议尺寸为 1.2m(长) * 1.0m(宽)，请您按照尺寸打印后带至会场，会务组会为您提供必要的工具（胶带、图钉等）。

联系方式

■ 会务组

电 话：王老师 010-61777004（学术） 董老师 010-61777010（会展咨询） 张老师 010-84351699
传 真：010-61777050 E-mail: aohupo2025@163.com
地 址：北京昌平区科学园路 38 号国家蛋白质科学中心·北京
邮 编：102206

■ 注册费汇至

帐户：北京蛋白质组研究中心 开户行：工商银行北京市永定路支行 帐号：0200004909200041055

* 务必注明：蛋白质组学大会 *（汇款前请先打电话联系，汇款后将汇款凭据传真至我处，以确保汇款安全到账）

附件

附件：论文摘要模板。

附件

Identified the nonspecific binding proteins in depletion of Albumin and IgG from Human plasma

Wang Yundan¹, Ning Yunshan^{1,3}, Jiang Yin², Deng Xinyu², Fang Qinmei², Hong Yanhua³,
Li Ming^{1,3}

¹ College of Biotechnology, Southern Medical University, Guangzhou, P. R. China, 510515

² Beijing Institute of Radiation Medicine, Beijing, P. R. China, 100850

³ Boang Antibody Company, Shanghai, P. R. China, 200233

tommy604@fimmu.com

Depletion of high abundant proteins in plasma samples was necessary for the further study of new biomarkers mining in HPPP. We used the high specific mouse mAb against human albumin and Protein G to remove Albumin and IgG respectively from human plasma in denatured condition and native condition. We observed the different capacity of depletion in the presence of chaos reagents, non-ionic detergent and high concentration of salts. In native condition, the elution proteins were separated by 2DE and 104 spots in the gel were excised and trypsin digested for tandem mass spectrum (MS/MS) analysis. The binding proteins including Albumin, IgG, Fibrinogen, Vitamin D binding protein, Alpha-1 antitrypsin, transferrin, Transthyretin, Proapolipoprotein, Keratin, Complement component 3. The remained spots are albumin and IgG fragments. In denatured condition, the capacity of depletion for albumin become lower but IgG not affected. The concentration of nonspecific binding proteins including the fragments of Albumin in elution sample was lower. The results may explain the relation between low non-specific binding and presence of albumin fragments in condensed plasma samples processed by MARC or MARS system using commercial buffer.

Keywords:

High abundant protein / Depletion / 2-DE / MS / Nonspecific / Human plasma protein / Monoclonal antibody / Denature

References

1. Huang, H. L., Stasyk T., Morandell, S., Mogg, M., *et al.*, *Electrophoresis* 2005, 26, 2843-2849
2. Anderson, N. L., Polanski M., Pieper, R., Gatlin, T., *et al.*, *Molecular & Cellular Proteomics* 2004 Apr;3(4):311-26.
3. Shen, Y. F., Kim, J. K., Strittmatter, E. F., Jacobs, J.M., *et al.*, *Proteomics* 2005, 5,4034-4045
4. Omenn, G. S., States D. J., Adamski M., Blackwell T. W., *et al.*, *Proteomics* 2005, 13, 3226-3245